

же. Количество фосфолипидов в мышцах сильных семей на 33,6 % выше в сравнении с показателями слабых ($P < 0,01$). За четыре месяца зимы в организме пчел в зависимости от их количества в улье происходят некоторые изменения липидного обмена.

В частности, в мышцах пчел из сильных семей на 46% увеличивается количество фосфолипидов. Однако при этом обнаружено снижение количества триацилглицеролов на 37 %. В кале пчел слабых семей количество общих липидов в 1,3 раза ниже по сравнению с содержанием липидов в кале сильных семей. Средняя масса кала у пчел сильных семей, которые занимали 8 улочек, составляла 29,07 мг. У слабых семей при силе 0,8–1,0 кг этот показатель увеличился на 32,19% и составлял 38,43 мг ($P < 0,025$). Также обнаружена обратная корреляционная связь между содержанием кала у пчел и содержанием фосфолипидов в мышцах. У сильных семей степень связи слабая ($r = 0,36$), а у слабых семей обнаружена тесная корреляционная связь ($r = 0,97$).

Для качественной зимовки пчелиных семей общее содержание фосфолипидов в грудных мышцах должно составлять 26–32 %.

УДК 619:616.98:578.831.3

КОВАЛЬ И.В., студентка

СОБОЛЕВА И.В., ассистент

Научный руководитель: **СИНИЦА Н.В.**, канд. вет. наук, доцент

УО «Витебская государственная академия ветеринарной медицины»

РОЛЬ УСЛОВНО-ПАТОГЕННОЙ МИКРОФЛОРЫ В ЭТИОЛОГИИ ЖЕЛУДОЧНО-КИШЕЧНЫХ БОЛЕЗНЕЙ ТЕЛЯТ

В комплексе мероприятий в борьбе с заболеваниями, вызываемыми условно-патогенными микроорганизмами (сальмонеллами, пастереллами, эшерихиями), значительная роль отводится специфической профилактике.

Для специфической профилактики и лечения больных животных предложены различные биологические препараты, но они не дают должного эффекта, даже после устранения способствующих факторов (условия содержания, кормления). Недостаточная эффективность специфической профилактики объясняется рядом причин, одной из ко-

торых является недостаточно изученная и неконтролируемая этиологическая структура этих болезней у молодняка животных.

В этой связи мы решили изучить структуру условно-патогенной микрофлоры, выделенной из патматериала от больного крупного рогатого скота в неблагополучных по сальмонеллезу хозяйствах Республики Беларусь.

Исследование патматериала от животных, выделение чистой культуры и его идентификацию проводили общепринятыми в микробиологии методами в лабораториях УО «Витебская ордена «Знак Почета» государственная академия ветеринарной медицины» и областных вет. лабораториях.

Нами от больных и павших животных в хозяйствах Витебской, Могилевской и Минской областей было выделено 169 шаровидных и 68 палочковидных культур. Из 68 палочковидных культур 32 отнесены к *E. coli*, 11 – к *S. dublin*, 10 – к *S. enteritidis*, 8 – к *S. typhimurium*, а антигенная структура 7 осталась неизвестной.

Из 169 шаровидных культур 104 оказались каталазоположительными и отнесены к непатогенным стафилококкам, из оставшихся 65 культур 53 определены нами как непатогенные бактерии вида *Str. faecium*.

Результаты наших исследований показали, что наиболее часто заболевания желудочно-кишечного тракта у молодняка крупного рогатого скота вызывают преимущественно *S. dublin*, *S. typhimurium*, *S. enteritidis*, *E. coli*. Следовательно, целесообразно изучить иммуногенность наиболее часто встречающихся сероваров сальмонелл и эшерихий среди телят в хозяйствах Республики Беларусь с целью дальнейшего их использования при конструировании специфических биопрепаратов для профилактики сальмонеллеза телят.